

تکنیک‌های مولکولی در بوم‌شناسی میکروبی مواد غذایی تخمیری

تألیف

لوکا کوکولین

دانیلو ارکولینی

ترجمه

سید علی مرتضوی

احمد رضا بهرامی

علیرضا صادقی

بلال صادقی

عنوان و نام پدیدآور:	تکنیکهای مولکولی در بوم‌شناسی میکروبی مواد غذایی تخمیری /
مشخصات نشر:	مؤلف [صحیح ویراستار] لوکا کوکولین، دانیلو ارکولینی؛ ترجمه علی مرتضوی... [و دیگران].
مشخصات ظاهری:	مشهد: دانشگاه فردوسی مشهد، ۱۳۹۰.
فروست:	۲۲۴ ص.
شابک:	۵۸۱ (ISBN: 978-964-386-251-0)
وضعیت فهرست‌نویسی:	فیبا.
یادداشت:	عنوان اصلی: Molecular techniques in the microbial ecology of fermented foods, C 2008.
یادداشت:	ترجمه علی مرتضوی، احمد رضا بهرامی، علیرضا صادقی، بلال صادقی.
موضوع:	غذاهای تخمیری -- میکروب‌شناسی.
شناسه افزوده:	کوکولین، لوکا.
شناسه افزوده:	Coccolin, Luca
شناسه افزوده:	ارکولینی، دانیلو.
شناسه افزوده:	BErcolini, Danilo
شناسه افزوده:	مرتضوی، علی، - ۱۳۱۵
شناسه افزوده:	دانشگاه فردوسی مشهد.
ردیف‌بندی کنگره:	TP ۳۷۱/۴۴/۸۱ ۱۳۹۰
ردیف‌بندی دیجیتی:	۶۶۴/۰۲۴
شماره کتابخانه ملی:	۲۲۸۲۵۱۴



انتشارات، شماره ۵۸۱

تکنیکهای مولکولی در بوم‌شناسی میکروبی مواد غذایی تخمیری

تألیف

لوکا کوکولین - دانیلو ارکولینی

ترجمه

سید علی مرتضوی - احمد رضا بهرامی

علیرضا صادقی - بلال صادقی

ویراستار علمی

دکتر فریده طباطبائی یزدی

وزیری، ۳۲۴ صفحه، ۱۰۰۰ نسخه، چاپ اول، بهار ۱۳۹۰

امور فنی و چاپ: مؤسسه چاپ و انتشارات دانشگاه فردوسی مشهد

بهای: ۴۵۰۰۰ ریال

ISBN: 978-964-386-251-0

شابک ۰-۲۵۱-۳۸۶-۹۶۴-۹۷۸

فهرست مطالب

۹	پیش گفتار مؤلفان
۱۱	پیش گفتار مترجمان
۱۳	فصل اول: تکنیک های مولکولی در تخمیر مواد غذایی، اصول و کاربردها
۱۳	چکیده.....
۱۴	- مقدمه.....
۱۵	-۲- ارزیابی کیفی و کمی جمعیت های میکروبی در مواد غذایی تخمیری: مشکلات و نیازها
۱۵	-۱- مکانیسم بقاء و واکنش های تنشی
۱۶	-۲-۲- واکنش های در محل و جمعیت میکروبی
۱۷	-۳- تکنیک های مستقل از کشت
۱۹	-۳-۱- روش های مبتنی بر PCR
۲۴	-۳-۲- روش های In-Situ
۲۷	-۳-۳- سایر روش ها (متفرقه)
۲۹	-۴- تکنیک های مبتنی بر کشت
۳۰	-۴-۱- شناسایی میکروبی
۳۰	-۴-۱-۱- روش های هیبریداسیون DNA-DNA
۳۲	-۴-۱-۲- روش های مبتنی بر PCR
۳۴	-۴-۱-۳- توالی یابی DNA
۳۵	-۴-۲- طبقه بندی میکروبی
۳۶	-۴-۲-۱- روش های مبتنی بر چند شکلی طولی قطعات محدود شده در DNA
۳۷	-۴-۲-۲- روش های مبتنی بر PCR
۳۹	-۴-۲-۳- سایر روش ها
۴۰	-۵- زمینه های موجود و چشم انداز های آینده
۴۰	-۵-۱- PCR کمی
۴۱	-۵-۲- فناوری تراشه مبتنی بر آرایه DNA و کاربردهای آن
۴۲	-۵-۳- داده پردازی زیستی: یک ابزار ضروری برای بررسی داده های مولکولی
۴۳	-۶- یادداشت های نهایی
۴۳	منابع

۵۳	فصل دوم: فراورده‌های لبنی
۵۳	چکیده.....
۵۴	۱- تنوع و دیدگاه‌های میکروب‌شناسی در فراورده‌های لبنی
۵۴	۱-۱- مقدمه.....
۵۷	۱-۲- مراحل فناوری تولید فراورده‌های لبنی
۶۲	۱-۳- تنوع میکروبی در فراورده‌های لبنی
۷۲	۲- استفاده از روش‌های مولکولی در میکروب‌شناسی فراورده‌های لبنی
۷۳	۲-۱- شیوه‌های مستقل از کشت.....
۷۳	۲-۱-۱- تنوع و دینامیک کشت‌های آغازگر طبیعی و انتخابی
۷۸	۲-۱-۲- تنوع و دینامیک جوامع میکروبی در پنیر و در حین تولید آن.....
۸۳	۲-۱-۳- پروفیل‌های میکروبی فراورده‌های لبنی برای ارزیابی کیفیت
۸۵	۲-۱-۴- تعیین موقعیت ویژه پرگه‌های میکروبی در پنیر به وسیله FISH
۸۷	۳- شناسایی و تعیین خصوصیات مولکولی نژادهای میکروبی جدا شده از محیط‌های لبنی
۹۰	۳-۱- طبقه‌بندی نژادی
۱۰۶	۳-۲- شناسایی در سطح جنس، گونه و زیر گونه
۱۱۰	۴- تفاسیر نهایی و چشم‌اندازها
۱۱۰	منابع
۱۲۷	فصل سوم: فراورده‌های تخمیری گوشت
۱۲۷	چکیده.....
۱۲۷	۱- مقدمه.....
۱۳۰	۲- روش‌های مستقل از کشت.....
۱۴۰	۳- روش‌های وابسته به کشت
۱۴۲	۴- شناسایی مولکولی نژادهای جدا شده از سوسیس‌های تخمیری به وسیله روش‌های وابسته به کشت
۱۴۵	۴-۱- باکتری‌های اسید لاکتیک
۱۴۸	۴-۲- کوکسی‌های کوآگولاز مفى
۱۵۱	۵- تفاسیر نهایی
۱۵۴	منابع
۱۶۱	فصل چهارم: تخمیرهای خمیرترش
۱۶۱	چکیده.....
۱۶۱	۱- مقدمه.....
۱۶۲	۲- تاریخچه رده‌بندی باکتری‌های اسید لاکتیک
۱۶۶	۳- رابطه تکاملی و تنوع باکتری‌های اسید لاکتیک خمیرترش
۱۶۹	۴- تنوع مخمرهای خمیرترش
۱۶۹	۵- روش‌های مستقل از کشت بررسی باکتری‌های اسید لاکتیک خمیرترش

۶- روش‌های مستقل از کشت بررسی مخمرهای خمیرترش.....	۱۷۱
۷- شناسایی باکتری‌های اسید لاکتیک خمیرترش با استفاده از روش‌های مولکولی.....	۱۷۳
۸- شناسایی مخمرهای خمیرترش با استفاده از روش‌های مولکولی.....	۱۷۶
۹- نوع رایج اکولوژیکی.....	۱۷۸
۱۰- نقش روش‌های مولکولی در تشریح بوم‌شناسی خمیرترش.....	۱۷۹
۱۱- ساختار و انعطاف‌پذیری ژنوم.....	۱۸۰
۱۲- سازگاری ژنتیکی باکتری‌های اسید لاکتیک خمیرترش.....	۱۸۱
۱۳- همسانه‌سازی و تعیین خصوصیات ژن.....	۱۸۱
۱۴- تنظیم ژن.....	۱۸۲
۱۵- نتیجه‌گیری‌ها و روندهای پیش‌روی.....	۱۸۲
منابع.....	۱۸۵
فصل پنجم: تخمیرهای سبزیجات	
چکیده.....	۱۹۵
۱- مقدمه.....	۱۹۵
۲- تخمیر توت‌های وحشی	۱۹۷
۳- تخمیر گیاهان دانه‌دار "آلماگرو"	۲۰۳
۴- سایر سبزیجات تخمیری	۲۰۶
۴-۱- کلم‌ترش	۲۰۶
۴-۲- زیتون‌های خوراکی	۲۰۸
۵- دور نما.....	۲۱۱
منابع.....	۲۱۳
فصل ششم: سایر تخمیرها	
چکیده.....	۲۱۷
۱- مقدمه.....	۲۱۸
۲- غذاهای تخمیری کشورهای در حال رشد و توسعه: یک نگاه کوتاه و اجمالی	۲۱۹
۳- استفاده از روش‌های مولکولی برای تخمیرهای غلات، کاساو و سویا	۲۲۲
۳-۱- غذاهای تخمیری بر پایه ذرت	۲۲۲
۳-۲- غذاهای تخمیری بر پایه سورگوم	۲۲۶
۳-۳- غذاهای تخمیری بر پایه کاساو	۲۲۷
۳-۴- محصولات متفرقه	۲۲۹
۴- کیمچی: یک مطالعه موردی برای بوم‌شناسی مولکولی تخمیر سبزیجات	۲۳۰
۵- تخمیر کاکائو و قهوه	۲۳۲
۵-۱- تخمیر کاکائو	۲۳۲
۵-۲- تخمیر قهوه	۲۳۵

۲۳۵.....	۶- چشم اندازها
۲۳۷.....	منابع

فصل هفتم: پروپیوتوکیک‌ها: درس‌های آموخته شده از بررسی‌های مبتنی بر اسید نوکلئیک جوامع میکروبی روده ... ۲۴۱
چکیده..... ۲۴۱

۱- مقدمه..... ۲۴۱

۲- روش‌های مبنا و مورد ارزیابی قرار گرفته در مطالعات پروپیوتوکیک ۲۴۶

۱-۲- ژل الکتروفورز دارای شب دناتوراسیون (PCR/DGGE/TGGE)..... ۲۴۶

۲-۲- هیبریداسیون فلورستی در محل (FISH)..... ۲۴۹

۲-۳- چند شکلی طولی قطعات محدود شده انتهایی (T-RFLP)..... ۲۵۴

۲-۴- ژل الکتروفورز در زمینه پالسی (PFGE)..... ۲۵۶

۳- جمع‌بندی ۲۵۸

منابع

فصل هشتم: نقش داده‌پردازی زیستی در آنالیزهای مبتنی بر توالی DNA فلور میکروبی
چکیده..... ۲۶۷

۱- مقدمه..... ۲۶۷

۲- توصیف تنوع فلور میکروبی ۲۶۸

۱-۲- روابط تکاملی..... ۲۶۸

۲-۲- زمان سنج‌های مولکولی..... ۲۶۹

۲-۳- توصیف روابط تکاملی بر اساس هم‌ردیفی ۲۶۹

۲-۴- توصیف مستقل از هم‌ردیفی روابط تکاملی ۲۷۱

۳- مقایسه ترکیب فلور میکروبی ۲۷۴

۴- تحولات آینده ۲۷۶

منابع

فصل نهم: نقش "آمیکس‌های" باکتریایی در تخمیر مواد غذایی
چکیده..... ۲۷۹

۱- مقدمه..... ۲۷۹

۲- ژنومیکس باکتری‌های اسید لاکتیک: روشی برای توسعه و به روز رسانی نگرش ما به گروه عمداتی از باکتری‌های مواد غذایی ۲۸۱

۱- تنوع ژنومی و تکامل باکتری‌های اسید لاکتیک ۲۸۴

۲- تنوع ژنتیکی و بوم‌شناسی میکروبی مواد غذایی ۲۸۸

۳- تنوع ژنومی و خصوصیات چسبندگی باکتری‌های اسید لاکتیک: مقایسه گونه‌های روده‌ای و موجود در مواد غذایی ۲۸۸

۳- از ژنوم تا تخمیر مواد غذایی: تأثیر آمیکس و استراتژی‌های مدل‌سازی بر درک متابولیسم ۲۹۱

۲۹۱	۳-۱- ارزیابی مجازی و مدل‌سازی متابولیک
۲۹۴	۳-۲- مهندسی متابولیک و متابولیسم در موجود زنده
۲۹۶	۳-۳- کاربرد آمیکس در محل: مزایا و محدودیت‌ها برای درک رفتار باکتری‌ها در حین فرآوری مواد غذایی
۲۹۷	۴- جمع‌بندی: دورنمای کاربردهای آتی آمیکس در مواد غذایی
۲۹۹	منابع
۳۰۵	واژه‌نامه فارسی
۳۱۱	واژه‌نامه انگلیسی
۳۱۹	نمایه

Press.um.ac.ir

پیش‌گفتار مؤلفان

شیوه مطالعه میکرووارگانیسم‌ها در مواد غذایی، متحول شده است. در سال‌های اخیر در زمینه تخمیرهای مواد غذایی به لطف کاربرد روش‌هایی که امکان پیش‌بینی بوم‌شناسی میکروبی این فراورده‌ها را میسر می‌سازند، پیشرفت بسیار سریعی تجربه گردیده است. به عنوان مثال، اطلاعات نوینی در خصوص تغییر ساختار و دینامیک جمعیت میکروبی در حین تولید فراورده‌های غذایی تخمیری موجود می‌باشد. زمان آن رسیده است که ژنومیکس، ترانسکرپتومیکس، پروتومیکس و متابولومیکس کاربردی با در نظر گرفتن اثرات متقابل آنها در خصوص نقش کلی باکتری‌ها در تخمیر مواد غذایی، در ک تازه‌ای به وجود آورند. بدون شک می‌توان ده سال گذشته را به عنوان زمان کشف و بازیابی ژنوم در نظر گرفت، چرا که در این مدت بیشترین تلاش در زمینه تحقیقی به گسترش و بهینه‌سازی روش‌های مولکولی زیستی جهت کشف، شناسایی صحیح، تعیین و نمایه کردن میکرووارگانیسم‌های موجود در تخمیر مواد غذایی اختصاص یافته است. شناسایی گونه‌ها و سویه‌های میکروبی در حین مراحل مختلف تولید مواد غذایی تخمیری، امکان تشخیص زمان عمل این میکرووارگانیسم‌ها و یا اینفای نقش آنها را در مخلوط پیچیده غذایی، امکان پذیر ساخته و لذا بدین منظور روش‌های مولکولی در قالب تشخیص‌های کاربردی، قابلیت استفاده پیدا می‌کنند.

محققین در تمام دنیا به خوبی دریافته‌اند که روش‌های سنتی میکروب‌شناسی که در آنها برای تعیین خصوصیات جمعیت‌های کوچک میکروبی و یا میکرووارگانیسم‌ها، غنی‌سازی انتخابی ضرورت دارد اغلب ناکارآمد هستند. علاوه بر این، سلول‌های آسیب دیده و تنفس یافته جهت بازیابی قابلیت کشت در محیط‌های آگاردار به شرایط کشت اختصاصی نیاز دارند. نهایتاً اینکه روش‌های سنتی میکروبیولوژی قادر به تشخیص سلول‌های زنده اما غیر قابل کشت نیستند. استفاده از روش‌های مولکولی، امکان مطالعه دقیق جمعیت میکروبی موجود در تخمیر مواد غذایی را فراهم آورده و از خطاهای مرتبط با روش‌های سنتی، ممانعت می‌نماید.

در این کتاب، مواد غذایی تخمیری شناخته شده و برخی از فراورده‌های غذایی غیر اروپایی مورد بررسی قرار گرفته و آخرین یافته‌ها در خصوص بوم‌شناسی میکروبی آنها که با استفاده از روش‌های مولکولی تعیین می‌شوند، توصیف گردیده است. روش‌های وابسته به کشت جهت تشخیص، تعیین ویژگی‌های مولکولی و طبقه‌بندی گونه‌های میکروبی جدا شده از مواد غذایی، معرفی شده و روش‌های

مستقل از کشت نظیر توصیف جمعیت میکروبی موجود (در سطح DNA) و یا جمعیت فعال (در سطح RNA) بدون نیاز به جداسازی سنتی مورد بررسی قرار گرفته‌اند.

تمامی تخمیرها شامل فراورده‌های لبنی، گوشتی، غلات و میوه‌ها همچنین انواع دیگر تخمیر نظیر تولید فراورده‌های تخمیری در آسیا و آمریکای جنوبی در اینجا آورده شده‌اند. با این وجود، فصل‌های کلیدی کتاب به استفاده از "آمیکس" در تخمیر مواد غذایی و روش‌های مولکولی مطالعه باکتری‌های پروپیوتیک و فلور میکروبی روده اختصاص یافته است. در انتهای نیز در دو فصل به ترتیب روش‌ها و دیدگاه‌های تکنیکی و همچنین استفاده از داده‌پردازی زیستی جهت بررسی داده‌های توالی‌بابی شده، مورد بررسی قرار گرفته است.

موضوع مطالعه به شیوه‌ای ارائه گردیده تا برای خواننده، جزئیات تحلیلی و پیشنهادات مفید در پژوهش به همراه نقد و ارزیابی مزایابی که با استفاده از یافته‌های نوین در میکروب‌شناسی مواد غذایی تخمیری، قابل ارتقاء هستند فراهم آید. فلسفه این کتاب، ارائه گزارش پیشرفته‌های اخیر در این زمینه بوده و محققین در این کتاب به جزئیاتی راجع به پرایم‌ها و دستورالعمل‌های بسیار مناسب برای مطالعه اکوسیستم‌های ویژه غذایی دست خواهند یافت. این کتاب علاوه بر اهداف تحقیقاتی، دانشجویان را قادر خواهد ساخت تا در سطوح مختلف ضمن فرآگیری موضوع مورد مطالعه با فراهم آوردن دانش میکروبیولوژی مواد غذایی تخمیری به یک پیش‌آگاهی در خصوص نحوه مطالعه امروزی فرآوری‌های خاص در مواد غذایی نیز دست یابند.

آنچه گفته شد یک طرح کلی بود که در ورای آن، هر یک از گردآورندگان اثر در خصوص موضوعات ارائه شده از نظر تناسب محتوا و ارزیابی خوبیش، کاملاً مستقل عمل نموده است. یک گروه از پژوهشگران متخصص در تخمیرهای مختلف مواد غذایی در جمع آوری این مجموعه، همکاری داشته‌اند. تعدادی کتاب در زمینه میکروبیولوژی مواد غذایی تخمیری وجود دارد اما این مجموعه، نخستین کتاب با هدف ارائه موضوع از دیدگاهی تازه و ایجاد نگرشی جدید در خصوص بوم‌شناسی میکروبی مواد غذایی تخمیری با استفاده از تکنیک‌های مولکولی زیستی محسوب می‌شود.

پیش‌گفتار مترجمان

انسان در طول تاریخ همواره در چالش برای رفع نیازها و دفع مخاطرات بوده و آنچه که در این میان همیشه اولویت داشته، موضوع کمیت و کیفیت غذا و همچنین ارتباط آن با سلامت وی بوده است. اگرچه مثال‌های فراوانی از کشفیات علمی و توسعه مژهای فناوری وجود دارد که مایه مباهات بشر در مواجهه با این چالش‌ها محسوب می‌شوند، اما برخی از آنها به دلیل تأثیرگذاری‌های عمیق در فرهنگ، تمدن و سلامت انسان، دارای اهمیت ویژه‌ای هستند. بدون شک، نمی‌توان نقش فرایندهای تخمیری ابداع شده در هزاران سال پیش و همچنین توسعه فناوری‌های زیست‌شناسی مولکولی در نیمه دوم قرن بیستم را در زندگی انسان و حتی اکوسیستم پیرامون او نادیده گرفت. امروزه پیشرفت زیست‌شناسی مولکولی سبب ایجاد تحول شگرفی در تمامی جنبه‌های مرتبط با آن خصوصاً در زمینه میکروب‌شناسی تشخیصی شده و هر روز شاهد ابداع پیشرفت‌های نوینی در این گستره از علم هستیم که همچنان با شتاب فرایندهای در جریان است. شاید در دهه گذشته، پیش‌بینی وقوع چنین تحولاتی به سادگی قابل تصور نبود اما اکنون نیاز به ایجاد یک زبان مشترک به منظور درک عمیق‌تر ارتباط بین این علوم کاملاً ملموس به نظر می‌رسد.

اهتمام نویسنده‌گان این کتاب بر تلفیق دو فناوری باستانی و فرا‌مدرن برای معرفی مقایسه‌ای کاربرد تکنیک‌های مولکولی در صنایع تخمیری بوده است. لذا ساختار کتاب به نحوی است که ظرفیت روش‌های مبتنی بر اسید نوکلئیک را در تشخیص و توصیف فلور میکروبی موجود در جمیعت‌هایی که کمتر مورد مطالعه قرار گرفته‌اند به خواننده معرفی می‌نماید. به طور خلاصه در فصل نخست این کتاب به معرفی مهم‌ترین تکنیک‌های مولکولی مؤثر در بوم‌شناسی میکروبی مواد غذایی تخمیری پرداخته شده و در فصل‌های بعدی ضمن ارائه نتایج حاصل از این تکنیک‌ها برای مهم‌ترین فرآورده‌های تخمیری نظریه‌لبنیات، گوشت‌های تخمیری، خمیرترش، سبزیجات تخمیر شده و سایر فرآورده‌های تخمیری در سه فصل انتهای کتاب، مزایای عمدی و بعضًا محدودیت‌های این تکنیک‌ها ارائه گردیده و دانش داده‌پردازی زیستی و امیکس‌ها نیز به عنوان بخشی از زیست‌شناسی پنهان برای درک و قایع، مهندسی ژنتیک و بهینه‌سازی فرایندهای تخمیری معرفی شده‌اند.

از یک سو ناگزیر بودن عرصه‌های علمی و صنعتی کشور از ورود به رقابت‌های جهانی در سطوح بالای فناوری و از طرف دیگر توسعه دوره‌های تحصیلات تکمیلی در زمینه‌های میکروب‌شناسی صنعتی، زیست‌فناوری مواد غذایی و علوم سلولی و مولکولی، انگیزه مضاعفی را برای مترجمین به وجود آورد تا

کتاب حاضر را به عنوان یکی از معتبرترین مراجع به زبان فارسی برگردانند. همچنین از آنجا که محققین و دانشجویان تحصیلات تکمیلی، طیف وسیعی از مخاطبان این کتاب را تشکیل می‌دهند لذا علاوه بر واژه‌نامه فارسی یک واژه‌نامه انگلیسی نیز به آن، ضمیمه گردیده است که هر یک از آنها با بررسی منابع معتبری گردآوری شده‌اند. در انتهای قضاوت در مورد اطلاعات و کیفیت ترجمه را به عهده خوانندگان محترم گذاشته و معتقدیم با وجود تمام تلاش‌هایی که در ترجمه این کتاب ارزشمند صورت گرفته است، بی‌تردد نقایصی در آن مشاهده خواهد شد که نظرات اصلاحی همکاران گرامی، محققین ارجمند و دانشجویان محترم، موجب نهایت خرسندی و سپاسگزاری خواهد بود.

گروه مترجمین

زمستان ۱۳۸۹